

V Praze dne 17.8.2023

Vážení zadavatelé,

Oddělení genomiky rozšířilo panel vyšetřovaných genů v rámci „*Vyšetření variant lidského genomu metodou masivně paralelního sekvenování – Myeloidní panel*“ o geny *ANKRD26, CEBPA, DDX41, ETNK1, GNB1, NF1, PIGA, PPM1D, PRPF8 a UBA1*. Diagnostika mutací v těchto genech navazuje na aktuální WHO/ICC klasifikaci myeloidních malignit a na mezinárodní prognostický skórovací systém IPSSM pro MDS. Z vyšetření byly odebrány geny *CBLC, FBXW7, HRAS, MYD88*, které nejsou součástí platné diagnostiky, prognostiky a ani nebyli doposud identifikovány u žádného pacienta vyšetřovaného od roku 2018. Upravené vyšetření bude do akreditovaného režimu zavedeno od 21. 8. 2023. Případné další rozšíření panelu o nové geny je možné provést při změně aktuálních doporučení či na vaši žádost.

S pozdravem

Monika Belíčková

**RNDr. Monika Belíčková, Ph.D.**

Náměstek pro vědu, výzkum a vývoj  
Vedoucí oddělení genomiky  
+420 221 977 305

[Monika.Belickova@uhkt.cz](mailto:Monika.Belickova@uhkt.cz)



Ústav hematologie a krevní transfuze  
U Nemocnice 1, 128 00, Praha 2

[www.uhkt.cz](http://www.uhkt.cz)